



Toll-free:400-611-2007

Order:010-62617225 62979301

Email:zomanbio@126.com

Http://www.zomanbio.com



版本号:2025-12-03

通用型总RNA快速提取试剂盒 (DNase I)

Universal Total RNA Kit(DNaseI)

目录号:ZP443

| 试剂盒组成 | ZP443-1 50次 | ZP443-2 100次 |
|-------------------------------|----------------|------------------|
| 裂解液R | 50 ml | 100 ml |
| 氯仿替代物 | 10 ml | 20 ml |
| 去蛋白液RW1 | 40ml | 80ml |
| DNase I(2U/ μ l) | 100 μ l | 200 μ l |
| DNase Buffer | 5ml | 10ml |
| 漂洗液RW | 15 ml | 2 \times 15 ml |
| RNase-free ddH ² O | 10 ml | 20 ml |
| RNase-free 吸附柱 | 50 个 | 100 个 |
| RNase-free收集管 (2 ml) | 50 个 | 100 个 |
| 说明书 | 1份 | 1份 |

■ 储存条件

裂解液R、氯仿替代物 2~8℃避光，DNase Buffer 2~8℃，DNase I -20℃，其余组分室温。

实验室使用，仅用于科研

北京庄盟国际生物基因科技有限公司
Beijing Zoman Biotechnology Co.,Ltd.



■ 产品介绍

本试剂盒可以从动植物组织、血液、培养细胞及各种微生物样品中裂解提取总RNA。改进的异硫氰酸胍/酚一步法裂解液细胞和灭活RNA酶。然后总RNA在高离序盐状态下选择性吸附于离心柱内硅基质膜，再通过一系列快速的漂洗—离心的步骤，漂洗液将细胞代谢物、蛋白等杂质去除，对微量DNA敏感的实验，可以增加DNase I柱上消化步骤，最后低盐的RNase-free water将纯净RNA从硅基质膜上洗脱，提取到的RNA可以直接应用于RT-PCR、RT-qPCR、Northern Blot、Dot Blot、体外翻译、芯片分析等多种下游实验。

■ 产品特点

1. 离心吸附柱内硅基质膜全部采用进口世界著名公司特制吸附膜，柱与柱之间吸附量差异极小，可重复性好。克服了国产试剂盒膜质量不稳定的弊端。
2. 结合了异硫氰酸胍/酚一步法，试剂稳定性好，纯度高和离心柱方便快捷的优点，不需要异丙醇沉淀和乙醇洗涤过程，RNA可以直接从离心柱上洗脱避免了过度干燥不易溶解问题。
3. 独有的R裂解液配方，可以有效的消除大部分基因组污染；配合DNase I柱上消化，消除掉残留的微量DNA。
4. 多次漂洗去蛋白过程，提取RNA纯度更高。
5. 有效的去除了5S在总RNA中含量，提高了纯度。

■ 注意事项

1. 第一次使用前请先在漂洗液RW瓶中加入指定量乙醇，加入后请及时打钩标记已加入乙醇，以免多次加入！
2. 为防止RNA降解，所有离心步骤如未加说明，均在4℃低温进行。使用转速可以达到13000rpm的冷冻离心机即可。
3. 裂解液R、氯仿替代物以及去蛋白液RW1中含有刺激性有害化合物，操作时要戴乳胶手套，避免沾染皮肤、眼睛和衣服。若沾染皮肤、眼睛时，要用大量清水或者生理盐水冲洗。
4. 操作人员应按照RNA实验要求，佩戴口罩和手套，使用RNase-free的耗材和试剂，并保证无RNase的操作环境。
5. 应取新鲜样品，并避免反复冻融，否则可能降低RNA的质量和产量。
6. 常规的琼脂糖凝胶电泳和变性胶电泳均可以用来分析RNA的质量。好的RNA产物在电泳后应该可以看到明显的二条优势核糖体RNA带，分别为~5kb (28S)，~2kb (18S)，条带亮度比值约为2: 1。有时候也可以看到~0.1kb和0.3kb(5S, tRNA)带。但有时候根据不同的物种如某些植物组织可以看到4, 5条带也属于正常现象，如果RNA未成熟的前体或者不均一核RNA、小核RNA提取出来也可能看到介于7kb和15kb之间的不连续的高分子量条带。
7. 检测 OD_{260}/OD_{280} 吸光度比值时，RNA样品应该溶于TE后检测，如果用水稀释后检测，由于一般水离子强度和PH值低，会使 OD_{280} 升高，从而使比值降低。
8. 加入裂解液R匀浆后，加氯仿替代物前，样品可在-60℃~-70℃保存一个月以上。



■ 操作步骤：（实验前请先阅读注意事项）

提示：第一次使用前请先在漂洗液RW中加入指定量乙醇！

1. 样本处理：

1a：植物组织：每20-80mg幼嫩植物组织加1ml植物裂解液R，用研磨杵将组织彻底研磨（如组织较难彻底研磨，可选用电动或玻璃匀浆器）；或者取30-80mg幼嫩植物组织加液氮彻底研磨后，转入到已经加有1ml植物裂解液R的1.5ml离心管中，涡旋振荡混匀。

1b：动物组织：用玻璃或强力匀浆器搅匀组织样品，保存于液氮内样品需要用研钵磨碎，每50~100mg组织加1ml的细胞裂解液R后匀浆。组织样品容积不能超过细胞裂解液R容积的10%。

注：对于核酸含量丰富的组织(如肝、脾等)，建议样品用量在20-50mg，避免样品过多影响提取效果。

1c：单层生长的细胞：直接往直径3.5cm的培养板中加入1ml的细胞裂解液R溶解细胞，并用移液枪轻轻吹打混匀。依据培养板的面积而不是依据细胞的数量来决定所需的细胞裂解液R量(每10cm²加1ml)。一般情况下，普通大小的细胞培养瓶，加入1ml的细胞裂解液R，迅速轻摇使细胞裂解液R充分和瓶底所有细胞接触裂解细胞并灭活RNA酶，轻轻用移液枪反复吹打混匀。当细胞裂解液R量不足时可导致抽提的RNA中污染有DNA。

1d：悬浮生长的细胞：通过离心来沉淀细胞。在细胞裂解液R试剂中用移液枪反复吹打来裂解细胞。每5~10×10⁶的动物细胞，植物或酵母菌细胞或每1×10⁷细菌加1ml的细胞裂解液R。在加入细胞裂解液R前应避免洗涤细胞，否则会增加mRNA降解的可能性。

注：破裂某些酵母菌和革兰氏阳性细菌可能需要使用匀浆或者酶处理，可联系我司寻求技术支持。

1e：血液：直接取新鲜的血液，加入3倍体积的裂解液R（推荐0.25ml全血加入0.75ml裂解液R），充分振荡混匀。

注：分离白细胞后再提取可以获得更高的RNA产量，可以联系我司获取红细胞裂解液。

2. 将匀浆样品室温静置5分钟，使得核酸蛋白复合物完全分离。

3. 可选步骤：4℃的条件下12000rpm离心10分钟，小心取上清转入一个新的RNase-free的离心管中。

注：当样品富含蛋白质、脂肪、多糖或是细胞外物质，例如植物的块茎部分时可能需

- 要这一分离步骤。匀浆化后在2~8℃的条件下以12000rpm离心10分钟，移除匀浆中不溶解的物质，余下的沉淀中包含有细胞外膜、多糖以及高分子量DNA，而上层的超浮游物含有RNA。
4. 每1ml植物裂解液R加0.2ml氯仿替代物。盖紧样品管盖，剧烈振荡（涡旋亦可）10秒并将其在室温下孵育2分钟。
 5. 于4℃ 12000rpm离心10分钟，样品会分成三层：下层有机相、中间层和上层无色的水相，RNA存在于水相中。水相层的容量大约为所加裂解液R体积的60%，把水相转移到新管中，进行下一步操作。
- 建议：**① 分层后细胞裂解液对RNA的保护作用减弱，因此操作上低温快速更好。
- ② 由正中插入液面下缓慢吸取大约500μl上相，避免扰动带RNase的中间层。一般吸取大约400-500 μl上相即可，不必要尽可能多的吸取含RNA的水相。
6. 加入0.5倍体积的**无水乙醇**，颠倒混匀（此时可能会出现沉淀）。得到的溶液和可能沉淀一起转入吸附柱中，吸附柱套在收集管内。
 7. 12000rpm 离心30秒，弃掉废液，将吸附柱重新套回收集管。
 8. 向吸附柱中加入350μl去蛋白液RW1，12000rpm 离心30秒，弃掉废液，将吸附柱重新套回收集管。
 9. 向柱内悬滴80μl DNase I工作液，室温消化5min(不要离心)。(DNaseI工作液配方:78μl DNase Buffer+2μl DNaseI, 临用临配)
 10. 继续加入350μl去蛋白液RW1，12,000rpm离心30s，弃废液，将吸附柱重新套回收集管。
 11. 加入500μl 漂洗液RW（请先检查是否已加入无水乙醇!），12000rpm离心30秒，弃掉废液，将吸附柱重新套回收集管。
 12. 重复步骤11。
 13. 将吸附柱放回空收集管中，13000rpm离心2分钟，尽量除去漂洗液，以免漂洗液中残留乙醇抑制下游反应。
 14. 取出吸附柱，放入一个新的RNase-free离心管中，根据预期RNA产量在吸附膜的中间部位加60-100μl RNase-free water，室温放置2分钟，12000rpm离心1分钟，得到RNA溶液。洗脱体积越大，洗脱效率越高，如果需要RNA浓度较高，可以适当减少洗脱体积，但是最小体积最好不少于50μl，体积过小降低RNA洗脱效率，减少RNA产量。
 15. 电泳推荐方案：用3mm×1mm小梳子，初始量为5μl电泳。电泳电压4-10v/cm，电泳时间20-25分钟。



■ 问题与解决方法

| 问题 | 评论与建议 |
|----------------------------------|---|
| RNA产量低 | <ul style="list-style-type: none">* 样品裂解或者匀浆不彻底。建议：液氮研磨的时候尽量研磨完全，加入裂解液R后剧烈震荡或者用枪头吹打帮助裂解以提高产量。新鲜组织或者植物组织可以不需液氮在干净研钵内加入适量裂解液R直接研磨。* 使用的样品或者裂解物在-20℃或者-70℃存放太久。建议：存放时间过长可能降低RNA产量，应尽快处理样品或者裂解物。* 组织本身含RNA少。建议：不同类型的组织和细胞含有不同量的RNA，对于含量少的组织应该适当提高起始处理量。* 超过了吸附柱的最大吸附能力。建议：同一个样品使用多个吸附柱，然后合并得到RNA。* 漂洗液RW内忘记加乙醇。建议：第一次实验时，漂洗液RW瓶中加入指定量无水乙醇。 |
| OD_{260}/OD_{280} 吸光度比值<1.6 | <ul style="list-style-type: none">* 分光光度计检测吸光度时，RNA样品溶于水。低离子浓度和低pH条件下，OD_{280}值会较高，造成比值低。建议：检测时用TE稀释样品。* 蛋白或者苯酚污染。建议：做步骤4吸取上清水相的时候小心不要吸取到中间相和下层有机相，确保做了步骤9。 |
| 下游的RT-PCR 实验不成功 | <ul style="list-style-type: none">* 忘记做步骤9，或者将吸附柱取出时下端碰到了收集管里面的漂洗液，造成洗脱下来的RNA含有乙醇，乙醇抑制了逆转录反应。建议：确保做了步骤9，然后小心取出吸附柱，可以在空气中晾几分钟，让残留乙醇挥发。 |

■ 问题与解决方法

| 问题 | 评论与建议 |
|-----------------|---|
| 基因组 DNA污染 | <ul style="list-style-type: none"> * 起始样品量超出了裂解液R的处理范围。建议：选择合适的起始处理量。 * 样品中含有有机溶剂（如乙醇、DMSO等），强缓冲液或碱性溶液。建议：避免这些可以改变裂解液R性质或者PH值的物质。 * 吸取上清时吸入了中间相。建议：做步骤4吸取取上清水相的时候小心不要吸取到中间相。 |
| RNA降解， 完整性不佳 | <ul style="list-style-type: none"> * RNA提取所用各种物品和试剂没有灭活RNA酶。建议：按照注意事项准备RNA提取的各种用品。 * 组织取出后没有马上处理或冷冻，提取前已经降解。建议：组织应该尽量立刻处理，不能及时处理的应该尽快保存于液氮或者-70℃。 * 提取的RNA样品没有保存在-20℃或-70℃低温。建议：尽可能的将RNA保存在-70℃的低温。 * 样品提取过程中降解。建议：提取动作应该尽可能的快，离心应该低温进行，取用RNA时尽量冰上进行。 |



扫一扫 关注我们